|  |  |
| --- | --- |
| MasSpecLab**Plateforme de Spectrométrie de Masse** | C:\Users\Stan\AppData\Local\Temp\gabarit-uvsq-ufr-sc-sante-s-veil-9x3x150-rvb.jpg |
|  |  |
| **Responsables : Jean-Claude Alvarez – Stanislas Grassin Delyle****Contact :**Stanislas Grassin DelylePlateforme de Spectrométrie de MasseUFR Sciences de la Santé Simone Veil2, avenue de la source de la Bièvre78180 Montigny le BretonneuxTel : +33 (0)1 70 42 94 22stanislas.grassin-delyle@uvsq.fr |
| Identification du projet |
| Numéro du projet : | Num. interne **MSL** |
| Laboratoire demandeur : | Cliquez ici pour taper du texte. | Responsable du laboratoire : | Cliquez ici pour taper du texte. |
| Responsable du projet : |
|  Nom : Cliquez ici pour taper du texte. Prénom : Cliquez ici pour taper du texte. | Téléphone : Cliquez ici pour taper du texte.Adresse mail : Cliquez ici pour taper du texte. |
|  |
| Nature du projet : | [ ]  Analyse élémentaire[ ]  Analyse médicaments/toxiques[ ]  Analyse protéomique[ ]  Autres : Cliquez ici pour taper du texte. | Protocole de recherche clinique : [ ]  Oui [ ]  NonRéférence ClinicalTrials.gov ou EudraCT : Cliquez ici pour taper du texte. |
| Type de prestation souhaitée | [ ]  Collaboration scientifique[ ]  Prestation de service |
| Informations sur le projet |
|  |  |
| Objectif global de la recherche : | Détaillez ici l’objectif de votre projet de recherche |
| Objectif détaillé des analyses demandées : | Détaillez ici les résultats que vous attendez pour les analyses demandées |
| Financement du projet : | [ ]  Public : [ ]  Fonds propres du laboratoire[ ]  Appel à projets (ANR, PHRC, bourse…). Référence : Entrer la référence[ ]  Privé |
| Date prévisionnelle de dépôt des échantillons : Cliquez ici pour entrer une date.Date de rendu des résultats souhaitée : Cliquez ici pour entrer une date. (Valeur indicative uniquement) |
| Échantillons |
| * Nature des matrices étudiées :
 | [ ]  Sang[ ]  Plasma ou sérum : Entrer ici la nature de l’anticoagulant[ ]  Milieu de culture : Décrire la composition du milieu | [ ]  Urine[ ]  LCR[ ]  Autre : Nature et composition |
| * Origine/espèce des matrices étudiées :
 | Espèce |
| * Nombre total d’échantillons :
 | Nb échantillons |
| * Nombre de groupes biologiques :
 | Nb groupes |
| * Présence de solvants organiques :
 | [ ]  Non [ ]  Oui : Nature. |
| * Conservation des échantillons :
 | Choisissez un item. |
| * pH du milieu (si connu) :
 | pH du milieu. |
| * Présence de tampon pH :
 | [ ]  Non [ ]  Oui : Nature. |
| * Stabilité des échantillons et analytes :
 | [ ]  Sensibles à la lumière[ ]  Sensible à la chaleur : Température critique[ ]  Sensible au changement de pH : Préciser |
| * Toxicité éventuelle de l’échantillon pour le manipulateur :
 | [ ]  Non [ ]  Oui : Nature. |
| * Autres remarques :
 | Préciser ici toute autre information utile. |
| Éléments ou molécules à étudier(joindre tableur Excel si plus de molécules) |
|  |  |
| 1. Nombre total d’éléments ou molécules à analyser : Nb analytes.
 |  |
| 1. Analyse élémentaire (ICP-MS) :
 |
| * + Liste des éléments à doser :

 Liste des éléments de la classification périodique. Préciser les isotopes d’intérêt. |
| 1. Analyse médicaments, toxiques, protéomique ou autres :
 |
| Molécule 1 | Nom : Nom molécule.Ordre de grandeur des concentrations attendues dans les différentes matrices : Indiquer ici les extrêmes des concentrations attendues.Autres molécules de même nature présentes dans la matrice : [ ]  Non [ ]  Oui : Nature.Si molécule expérimentale :Structure ou lien PubChem : Structure, lien PubChem. |
|  | Masse monoisotopique : MM. | Log P : Log P. | pKa : pKa. |
|  |
| Molécule 2 | Nom : Nom molécule.Ordre de grandeur des concentrations attendues dans les différentes matrices : Indiquer ici les extrêmes des concentrations attendues.Autres molécules de même nature présentes dans la matrice : [ ]  Non [ ]  Oui : Nature.Si molécule expérimentale :Structure ou lien PubChem : Structure, lien PubChem. |
|  | Masse monoisotopique : MM. | Log P : Log P. | pKa : pKa. |
|  |
| Molécule 3 | Nom : Nom molécule.Ordre de grandeur des concentrations attendues dans les différentes matrices : Indiquer ici les extrêmes des concentrations attendues.Autres molécules de même nature présentes dans la matrice : [ ]  Non [ ]  Oui : Nature.Si molécule expérimentale :Structure ou lien PubChem : Structure, lien PubChem. |
|  | Masse monoisotopique : MM. | Log P : Log P. | pKa : pKa. |
|  |
| Molécule 4 | Nom : Nom molécule.Ordre de grandeur des concentrations attendues dans les différentes matrices : Indiquer ici les extrêmes des concentrations attendues.Autres molécules de même nature présentes dans la matrice : [ ]  Non [ ]  Oui : Nature.Si molécule expérimentale :Structure ou lien PubChem : Structure, lien PubChem. |
|  | Masse monoisotopique : MM. | Log P : Log P. | pKa : pKa. |
|  |
| Molécule 5 | Nom : Nom molécule.Ordre de grandeur des concentrations attendues dans les différentes matrices : Indiquer ici les extrêmes des concentrations attendues.Autres molécules de même nature présentes dans la matrice : [ ]  Non [ ]  Oui : Nature.Si molécule expérimentale :Structure ou lien PubChem : Structure, lien PubChem. |
|  | Masse monoisotopique : MM. | Log P : Log P. | pKa : pKa. |
|  |
| Molécule 6 | Nom : Nom molécule.Ordre de grandeur des concentrations attendues dans les différentes matrices : Indiquer ici les extrêmes des concentrations attendues.Autres molécules de même nature présentes dans la matrice : [ ]  Non [ ]  Oui : Nature.Si molécule expérimentale :Structure ou lien PubChem : Structure, lien PubChem. |
|  | Masse monoisotopique : MM. | Log P : Log P. | pKa : pKa. |
|  |
| Molécule 7 | Nom : Nom molécule.Ordre de grandeur des concentrations attendues dans les différentes matrices : Indiquer ici les extrêmes des concentrations attendues.Autres molécules de même nature présentes dans la matrice : [ ]  Non [ ]  Oui : Nature.Si molécule expérimentale :Structure ou lien PubChem : Structure, lien PubChem. |
|  | Masse monoisotopique : MM. | Log P : Log P. | pKa : pKa. |
|  |
| Rapport d’analyse souhaité |
|  |  |
| [ ]  Minimal (uniquement les résultats qualitatifs et/ou quantitatifs pour chaque échantillon)[ ]  Standard (+ description de la méthodologie employée)[ ]  Étendu (+ fourniture des chromatogrammes individuels et des résultats des contrôles de qualité)[ ]  Intégral (+ fourniture des résultats de la validation de la méthode) | **Langue :**[ ]  Français[ ]  Anglais |
| Liste des échantillons fournis (joindre tableur Excel si plus d’échantillons) |
|  |  |
| Nom Échantillon | Id. Patient / Animal / Tissu… | Nature(Sang, urine…) | Volume fourni (mL) | Condition biologique testée | Infos particulières |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |
|  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |
|   |   |   |   |   |   |
|   |   |   |   |   |   |

[ ]  Je déclare avoir pris connaissance et accepté la charte d’utilisation de la plateforme **MasSpecLab**

|  |  |
| --- | --- |
| Nom du demandeur : Nom.Date : Cliquez ici pour entrer une date. | Signature : Signature manuscrite ou coller image ci-dessous. |